

Raport de analiza

Raport **34154888**v3

Client **hope&care**



Numele probei #

37 Ani ; D Naterea Sex:

Solicitat de # **hope&care**

Numărul esantionului Data recepiei: 12/01/2024 11:07

Data validării i emisiunea raportului **23/01/2024 16:48** Teletest PRV

Disbioza intestinală

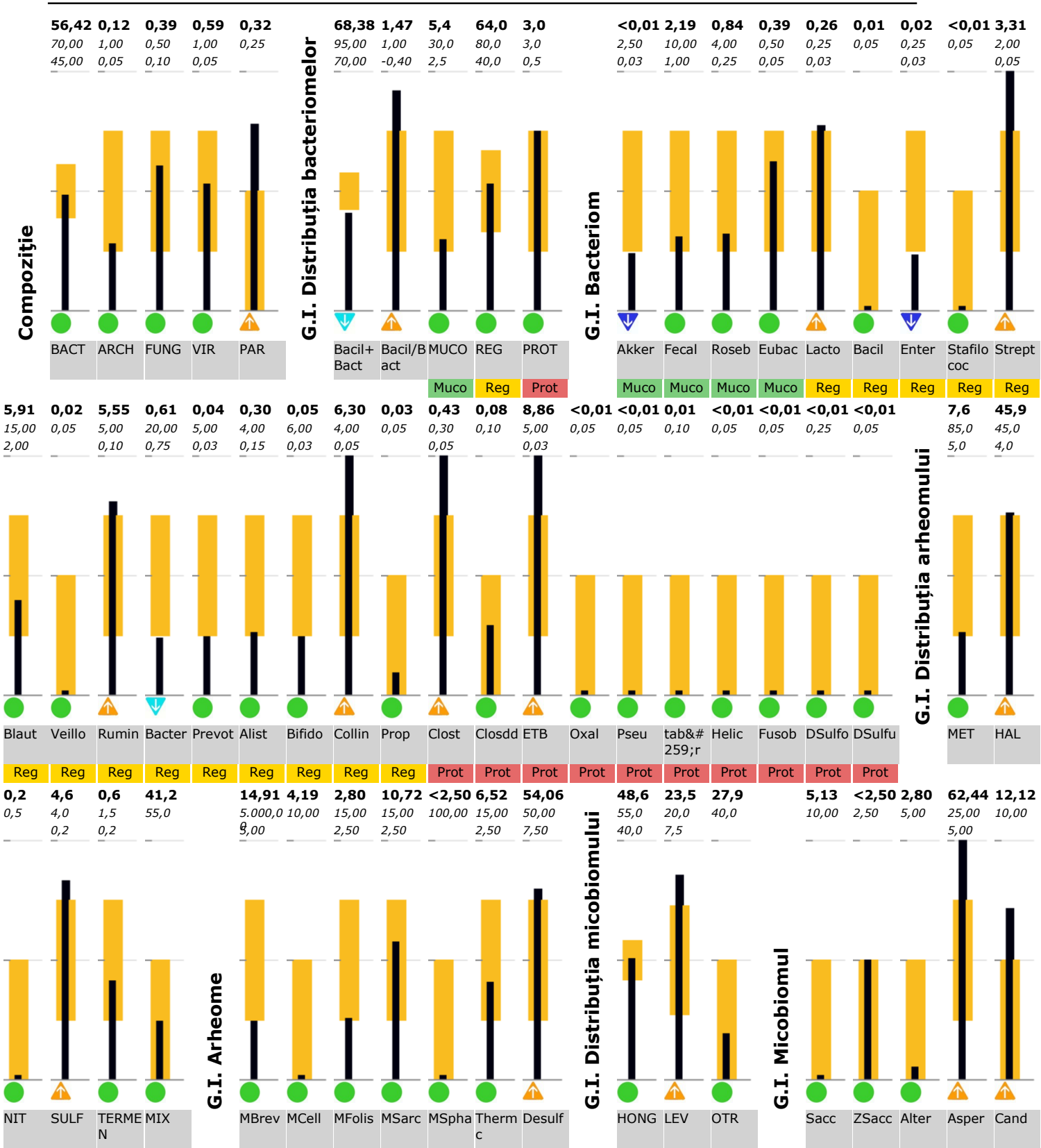


Data **12-01-2024**

Solicitat de # **Hope&care**



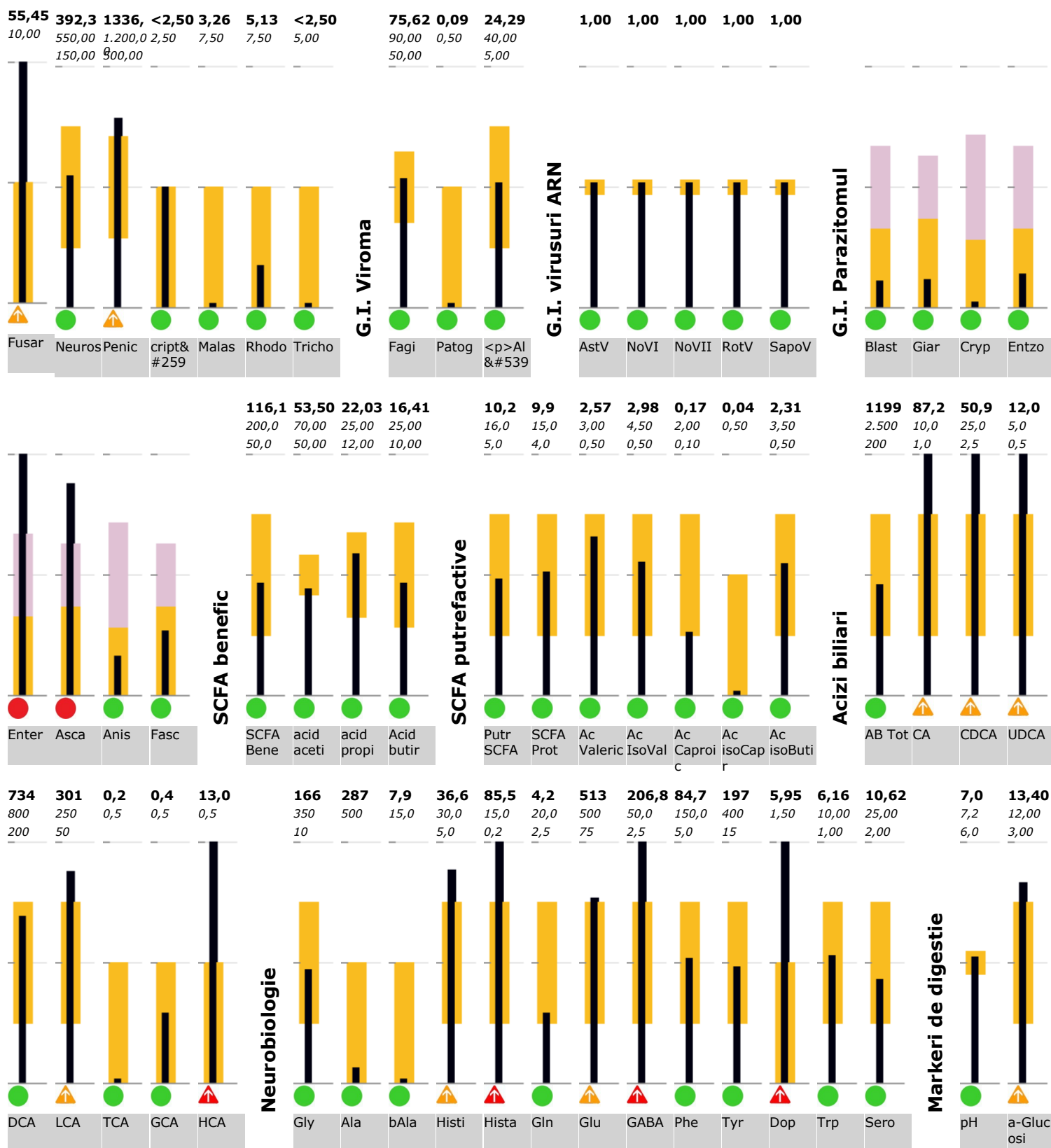
Disbioza intestinală



Raport de analiza

Raport **34154888v3**

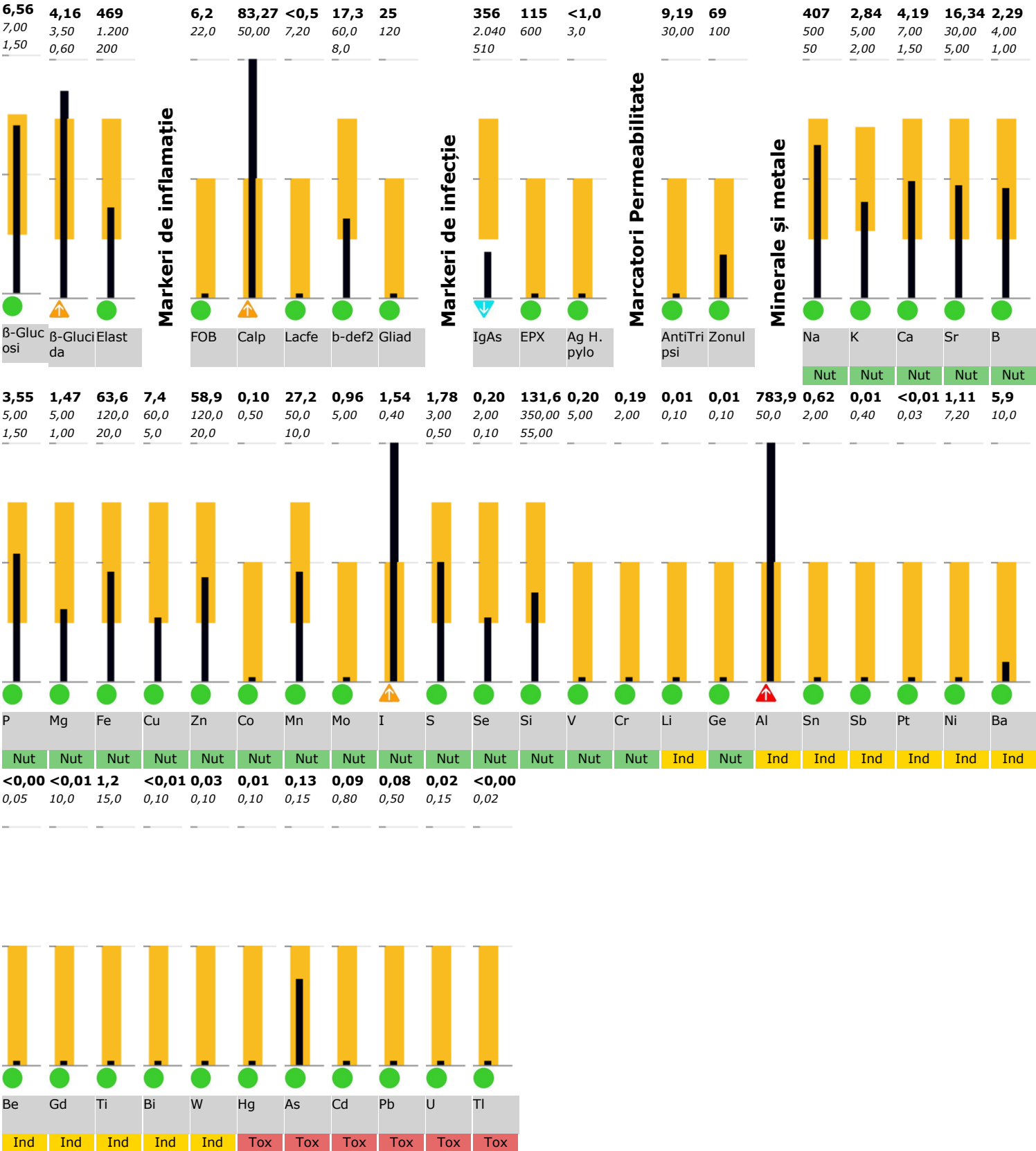
Client **hope&care**



Raport de analiza

Raport 34154888v3

Client hope&care





● Bacterii [BACT]	56,42	(VR:45,00/70,00)	
- Indicele Shannon	3.47		(VR:2,00/3,00)
● Archaea [ARCH]	0,12	(VR:0,05/1,00)	
- Indicele Shannon	1.12		(VR:2,00/3,00)
● Ciuperci și drojdii [FUNG]	0,39	(VR:0,10/0,50)	
- Indicele Shanon	1.62		(VR:2,00/3,00)
● Viruși [VIR]	0,59	(VR:0,05/1,00)	

- Indicele Shannon **3.41**

(VR:2,00/3,00)

Paraziți și Helminți [PAR] **0,32** (VR: ≤0,25)

G.I. Distribuția bacteriomelor

Bacillota+Bacteridota [Bacil+Bacter] **68,38** (VR:70,00/95,00)

Raport

Raportul Bacillota+Bacteridota reflectă distribuția majoritară a microbiomului. Este un indicator al sănătății gastro-intestinale. Calcul: Ph Bacillota % + Ph Bacteroidota %

Bacillota/Bacteridota [Bacil/Bacter] **1,47** (VR:-0,40/1,00)

Raport

Raportul Bacillota/Bacteridota reflectă echilibrul dintre cele mai abundente fili ale microbiotei intestinale. Este un indicator al biodiversității și al inflamației intestinale. Calcul: log Ph Bacillota - log Ph Bacteroidota

Bacteriile muconutritive [MUCO] **5,4** (VR:2,5/30,0)

Microbiota muconutritivă

Microbiota muconutritivă este responsabilă de menținerea mucusului care face parte din mucoasa intestinală. Aceste bacterii ajută la digestia, absorbția și sinteza multor substanțe nutritive, cum ar fi acidul butiric.

Bacterii de reglementare [REG] **64,0** (VR:40,0/80,0)

Microbiota reglatoare

Microbiota reglatoare are două funcții: - IMUNOLOGICE: reglează sistemul imunitar. Ele împiedică majoritatea substanțelor potențial antigenice să declanșeze o reacție imună specifică. - PROTECTOR: creează o barieră fizică și imunologică. Mențin pH-ul acid fiziologic în lumenul intestinal și păstrează integritatea mucoasei.

Bacterii proteolitice [PROT] **3,0** (VR:0,5/3,0)

Microbiota proteolitică

Microbiota proteolitică se comportă ca agenți patogeni facultativi. Ele alcalinizează mediul intestinal și generează substanțe potențial toxice, precum aminele (hidroliza proteinelor).

G.I. Bacteriom

Akkermansia [Akker] **<0,01** (VR:0,03/2,50)

Microbiota muconutritivă

Genul Akkermansia este principalul reprezentant al microbiotei muconutritive. Este responsabil pentru formarea mucoasei pentru a corecta permeabilitatea intestinală și pentru a ajuta la absorbția nutrienților.

Faecalibacterium [Fecal] **2,19** (VR:1,00/10,00)

Microbiota muconutritivă

Genul Faecalibacterium face parte din microbiota muconutritivă. Este o bacterie care produce acizi grași cu lanț scurt (SCFA), în principal acid butiric. Este distribuit în tot tractul gastrointestinal și este considerat un indicator al sănătății intestinale.

Roseburia [Roseb] **0,84** (VR:0,25/4,00)

Microbiota muconutritivă

Genul Roseburia face parte din microbiota muconutritivă. Este responsabil în mod special pentru stabilizarea mucoasei și repararea permeabilității acesteia.

Eubacterium [Eubac] **0,39** (VR:0,05/0,50)

Microbiota muconutritivă

Genul Eubacterium face parte din microbiota reglatoare și muconutritivă. Funcția lor depinde de nivelurile de Roseburia, deoarece sunt responsabile pentru protejarea mucoasei intestinale.

Lactobacillaceae [Lacto] **0,26** (VR:0,03/0,25)

Microbiota reglatoare

Familia Lactobacillaceae include genurile bacteriene asociate cu Lactobacillus (cum ar fi Limosilactobacillus, Lactocaseibacillus, Ligilactobacillus, Lactobacillus, Lactiplantibacillus...). Ele fac parte din microbiota reglatoare stabilă și obligatorie a intestinului nostru. Unele dintre speciile sale sunt folosite ca probiotice.

Raport de analiza

Raport **34154888v3**

Client **hope&care**



●	Bacil [Bacil]	0,01	(VR: ≤0,05)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Bacillus</i> face parte din microbiota reglatoare stabilă, dar tranzitorie. Prezența sa este un indicator al diversității microbiene mai mari în intestin.		
▼	Enterococcus [Enter]	0,02	(VR: 0,03/0,25)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Enterococcus</i> face parte din microbiota reglatoare. Sunt considerați agenți patogeni oportuniști și sunt foarte rezistenți la acizii biliari. Acidifică tractul gastro-intestinal prin furnizarea de substanțe antibacteriene. Unele dintre speciile sale sunt folosite ca probiotice.		
●	Stafilococ [Stafilococ]	<0,01	(VR: ≤0,05)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Staphylococcus</i> face parte din microbiota reglatoare. Este prezent în mucoasa intestinală și în piele. Au mai mulți factori de virulență, cum ar fi acizii teicoici și peptidoglicanii.		
▲	Streptococ [Strept]	3,31	(VR: 0,05/2,00)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Streptococcus</i> face parte din microbiota reglatoare. Se găsește în microecosistemul oral și intestinal. Este un modulator al activității metabolice a speciilor probiotice.		
●	Blautia [Blaut]	5,91	(VR: 2,00/15,00)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Blautia</i> face parte din microbiota reglatoare. Este un modulator al activității metabolice a speciilor <i>Clostridium</i> și <i>Ruminococcus</i> .		
●	Veillonella [Veillo]	0,02	(VR: ≤0,05)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Veillonella</i> face parte din microbiota reglatoare. Este legat de probleme de sensibilitate alimentară și patologii bucale.		
▲	Ruminococcus [Rumin]	5,55	(VR: 0,10/5,00)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Ruminococcus</i> face parte din microbiota reglatoare. Intervine în modularea sistemului imunitar și ajută în procesele de digestie a alimentelor crude.		
▼	Bacteroides [Bacter]	0,61	(VR: 0,75/20,00)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Bacteroides</i> face parte din microbiota reglatoare. Au activitate metabolică scăzută, dar sunt foarte diverse. Ele intervin în digestia carbohidraților simpli și a proteinelor de origine animală.		
●	Prevotella [Prevot]	0,04	(VR: 0,03/5,00)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Prevotella</i> face parte din microbiota reglatoare. Sunt foarte sensibili la acizii biliari. Ele intervin în digestia carbohidraților complecși și a proteinelor de origine vegetală.		
●	Alistipes [Alist]	0,30	(VR: 0,15/4,00)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Alistipes</i> face parte din microbiota reglatoare. Creșterea sa este asociată cu prezența speciilor <i>Faecalibacterium</i> . Funcția lor este de a regla inflamația intestinală, dar pot provoca dezechilibre în metabolismul neurotransmițătorilor.		
●	Bifidobacterium [Bifido]	0,05	(VR: 0,03/6,00)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Bifidobacterium</i> face parte din microbiota reglatoare. Creșterea sa este asociată cu vârsta individului. Unele dintre speciile sale sunt folosite ca probiotice.		
▲	Collinsella [Collin]	6,30	(VR: 0,05/4,00)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Collinsella</i> face parte din microbiota reglatoare. Este o bacterie care modulează răspunsul sistemului imunitar împotriva agenților patogeni virali.		
●	Propionibacterium [Prop]	0,03	(VR: ≤0,05)
	<i>Microbiota reglatoare</i> Genul <i>Propionibacterium</i> face parte din microbiota reglatoare. Este principalul producător de acid propionic. Unele dintre speciile sale sunt folosite ca probiotice.		

	Clostridium [Clost]	0,43	(VR: 0,05/0,30)
	<i>Microbiota proteolitică</i> Genul Clostridium face parte din microbiota proteolitică. Sunt bacterii foarte active din punct de vedere metabolic și ne pot modula procesele digestive și imunologice.		
	Clostridioides [Closdd]	0,08	(VR: ≤0,10)
	<i>Microbiota proteolitică</i> Genul Clostridioides face parte din microbiota proteolitică. Conține unul dintre agenții patogeni intestinali cu cea mai mare rezistență la antibiotice și producători de enterotoxine.		
	Enterobacteriale [ETB]	8,86	(VR: 0,03/5,00)
	<i>Microbiota proteolitică</i> Ordinul Enterobacterales face parte din microbiota proteolitică și include genuri precum Escherichia, Shigella, Salmonella, Klebsiella, Yersinia, Proteus... Funcția sa principală este de a oferi biodiversitate în intestin și de a ajuta la digestia proteinelor și carbohidraților din alimentație.		
	- Escherichia	0.55	
	- Shigella	0.01	
	- Salmonella	<0,01	
	- Klebsiella	0.03	
	- Yersinia	<0,01	
	- Proteus	<0,01	
	Oxalobacter [Oxal]	<0,01	(VR: ≤0,05)
	<i>Microbiota proteolitică</i> Genul Oxalobacter face parte din microbiota proteolitică și reglatoare. Funcția sa principală este degradarea acidului oxalic.		
	Pseudomonas [Pseu]	<0,01	(VR: ≤0,05)
	<i>Microbiota proteolitică</i> Genul Pseudomonas face parte din microbiota proteolitică. Sunt considerați agenți patogeni oportuniști. Creșterea excesivă a acestuia depinde de prezența metalelor indicator și/sau toxice.		
	Campylobacter [tabără]	0,01	(VR: ≤0,10)
	<i>Microbiota proteolitică</i> Genul Campylobacter face parte din microbiota proteolitică. Sunt considerați agenți patogeni oportuniști și pot provoca diaree acută.		
	Helicobacter [Helic]	<0,01	(VR: ≤0,05)
	<i>Microbiota proteolitică</i> Genul Helicobacter face parte din microbiota proteolitică. Sunt considerați agenți patogeni oportuniști. Ele intervin în reabsorbția acizilor biliari.		
	Fusobacterium [Fusob]	<0,01	(VR: ≤0,05)
	<i>Microbiota proteolitică</i> Genul Fusobacterium face parte din microbiota proteolitică. Are legătură cu patologii bucale și canceroase. La femei, prezența sa poate indica probleme cu concepția și în timpul sarcinii.		
	Desulfovibrio [DSulfo]	<0,01	(VR: ≤0,25)
	<i>Microbiota proteolitică</i> Genul Desulfovibrio face parte din microbiota proteolitică. Funcția sa principală este reducerea sulfatului. Sunt asociate cu patologii inflamatorii gastrointestinale și neurodegenerative.		
	Desulfurivibrio [DSulfu]	<0,01	(VR: ≤0,05)
	<i>Microbiota proteolitică</i> Genul Desulfurivibrio face parte din microbiota proteolitică. Funcția sa principală este de a reduce sulfura și de a genera hidrogen sulfurat. Sunt asociate cu patologii gastrointestinale inflamatorii.		

G.I. Distribuția arheomului

	Metanogene [MET]	7,6	(VR: 5,0/85,0)
	Methanogen Archaea sunt microorganisme capabile să utilizeze sau să producă metan la nivel intestinal.		
	Halofil [HAL]	45,9	(VR: 4,0/45,0)
	Arheile halofile sunt microorganisme care au nevoie de substanțe halogenate (cum ar fi clorura, iodura...) pentru creșterea lor.		

●	Nitrofile [NIT]	0,2	(VR: ≤0,5)
	<i>Arheile nitrofile sunt microorganisme capabile să utilizeze metaboliți azotați și/sau amoniu ca nutrienți.</i>		
▲	Sulfuros [SULF]	4,6	(VR: 0,2/4,0)
	<i>Arheele sulfuroase sunt microorganisme capabile să utilizeze metaboliți ai sulfului și/sau să producă hidrogen sulfurat.</i>		
●	Termofili [TERMEN]	0,6	(VR: 0,2/1,5)
	<i>Arheile termofile sunt microorganisme capabile să se dezvolte într-o situație de febră scăzută la individ.</i>		
●	Altele (funcționalități multiple) [MIX]	41,2	(VR: ≤55,0)

G.I. Arheome

●	Methanobrevibacter [MBrev]	14,91	(VR: 5,00/5.000,00)
	<i>Genul Methanobrevibacter face parte din arheile care metabolizează metanul. Poate recicla hidrogenul bacterian prin legarea sa de dioxid de carbon sau acid formic. Poate crește în prezența sărurilor biliare.</i>		
●	Methanocella [MCell]	4,19	(VR: ≤10,00)
	<i>Genul Methanocella face parte din arheile care metabolizează metanul. Producerea și/sau digestia metanului este asociată cu ingestia de orez.</i>		
●	Methanofolis [MFolis]	2,80	(VR: 2,50/15,00)
	<i>Genul Methanofolis face parte din arheile care metabolizează metanul. Poate recicla hidrogenul bacterian prin legarea sa de alcooli și/sau acid formic.</i>		
●	Metanosarcină [MSarc]	10,72	(VR: 2,50/15,00)
	<i>Genul Methanosarcina face parte din arheile care metabolizează metanul. Sunt mari consumatori de complexe metilate.</i>		
●	Methanosphaera [MSpha]	<2,50	(VR: ≤100,00)
	<i>Genul Methanosphaera face parte din arheile care metabolizează metanul. Sunt considerați agenți patogeni oportuniști. Poate recicla hidrogenul bacterian prin legarea sa de metanol. Poate crește în prezența sărurilor biliare.</i>		
●	Thermococcus [Thermc]	6,52	(VR: 2,50/15,00)
	<i>Genul Thermococcus face parte din arheile termofile. Pot consuma sulf și sunt foarte sensibili la oxigen.</i>		
▲	Desulfurococcus [Desulf]	54,06	(VR: 7,50/50,00)
	<i>Genul Desulfurococcus face parte din arheile sulfuroase. Creșterea sa depinde de prezența hidrogenului sulfurat.</i>		

G.I. Distribuția microbiomului

●	Ciuperci [HONG]	48,6	(VR: 40,0/55,0)
	<i>Ciupercile fac parte din microbiom și se caracterizează prin creșterea prin formarea de filamente alungite și ramificate.</i>		
▲	Drojdii [LEV]	23,5	(VR: 7,5/20,0)
	<i>Drojdii fac parte din microbiom și se caracterizează prin creșterea într-o formă unicelulară pentru cea mai mare parte a ciclului lor de viață.</i>		
●	Alții [OTR]	27,9	(VR: ≤40,0)

G.I. Microbiomul

●	Saccharomyces [Sacc]	5,13	(VR: ≤10,00)
	<i>Genul Saccharomyces este o drojdie care face parte din microbiomul esențial al intestinului. Unele dintre speciile sale sunt folosite ca probiotice.</i>		
●	Zygosaccharomyces [ZSacc]	<2,50	(VR: ≤2,50)
	<i>Genul Zygosaccharomyces este o drojdie care acționează ca un amplificator metabolic pentru speciile Saccharomyces.</i>		
●	Alternaria [Alter]	2,80	(VR: ≤5,00)
	<i>Genul Alternaria este o ciupercă asociată cu patologii respiratorii și dermatologice. Poate afecta sănătatea mucoasei gastrointestinale și este legată de hipersensibilitatea sistemului imunitar.</i>		
▲	Aspergillus [Asper]	62,44	(VR: 5,00/25,00)
	<i>Genul Aspergillus este o ciupercă producătoare de micotoxine care este asociată cu patologii respiratorii.</i>		

🚩	Candida [Cand]	12,12	(VR: ≤10,00)	Genul Candida este o drojdie comună în microbiomul intestinal. Ajută la digestia resturilor de carbohidrați prost digerate și absoarbe metalele toxice pentru a proteja mucoasa intestinală.
🚩	Fusarium [Fusar]	55,45	(VR: ≤10,00)	Genul Fusarium este o ciupercă producătoare de micotoxine. Ele pot modula activitatea metabolică a mitocondriilor. Sunt asociate cu patologii dermatologice.
●	Neurospora [Neuros]	392,38	(VR:150,00/550,00)	Genul Neurospora este o ciupercă care provine din consumul de pâine. Este folosit ca indicator al calității alimentelor.
🚩	Penicillium [Penic]	1.336,50	(VR:500,00/1.200,00)	Genul Penicillium este o ciupercă care produce antibiotice și micotoxine. Acționează ca un modulator al creșterii microbiotei bacteriene.
●	Cryptococcus [criptă]	<2,50	(VR: ≤2,50)	Genul Cryptococcus este o drojdie care se găsește în fecalele păsărilor sălbatice. Acționează ca un agent patogen oportunist la pacienții imunocompromiși.
●	Malassezia [Malas]	3,26	(VR: ≤7,50)	Genul Malassezia este o ciupercă comună a pielii. Este cauza matreții.
●	Rhodotorula [Rhodo]	5,13	(VR: ≤7,50)	Genul Rhodotorula este o drojdie care se asociază cu patologii dermatologice și respiratorii.
●	Trichosporon [Tricho]	<2,50	(VR: ≤5,00)	Genul Trichosporon este o drojdie care este asociată cu patologii dermatologice.

G.I. Viroma

●	Fagi [Fagi]	75,62	(VR:50,00/90,00)	Fagii sunt un set de viruși care găzduiesc bacterii, arhee și/sau specii fungice.
●	Agenti patogeni [Patog]	0,09	(VR: ≤0,50)	Agentii patogeni virali sunt un grup de viruși care infectează celulele umane.
●	Alții	24,29	(VR:5,00/40,00)	Acestea includ setul de viruși cu o gazdă necunoscută.

G.I. virusuri ARN

●	Astrovirus [AstV]	1,00	Absența	Metoda PCR
●	Norovirus GI [NoVI]	1,00	Absența	Metoda PCR
●	Norovirus GII [NoVII]	1,00	Absența	Metoda PCR
●	Rotavirus GI [RotV]	1,00	Absența	Metoda PCR
●	Sapovirus GI [SapoV]	1,00	Absența	Metoda PCR

G.I. Parazitomul

●	Blastocystis [Blast]	DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.			Genul Blastocystis este un parazit intestinal care este legat de patologii intestinale inflamatorii.
●	Giardia [Giar]	Nu a fost detectat			Genul Giardia este un parazit intestinal care modifică microvilozitățile intestinale. Ele pot condiționa absorbția vitaminelor liposolubile și în grăsimi. Este legat de sensibilitatea alimentară la gluten.

● **Cryptosporidium [Cryp]**

Nu a fost detectat

Genul Cryptosporidium este un parazit care infectează pacienții imunocompromiși. Poate acționa ca un declanșator al patologiilor autoimune.

● **Enterocitoozon [Entzo]**

DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.

Genul Enterocitoozon este un parazit care afectează pacienții imunocompromiși. Este folosit ca indicator al calității alimentelor.

● **Enterobius [Enter]**

DETECTAT: niveluri crescute de ADN.

Genul Enterobius este un nematod care provoacă mâncărime prin migrarea perianală. Este asociat cu insomnie, nervozitate și iritabilitate.

● **Ascaris [Asca]**

DETECTAT: niveluri crescute de ADN.

Genul Ascaris este un nematod care provoacă dureri abdominale și probleme de malabsorbție a nutrienților. Se asociază cu patologii respiratorii.

● **Anisakis [Anis]**

DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.

Genul Anisakis este un nematod care provoacă leziuni la nivelul tractului digestiv. Pot produce o reacție alergică mediată de imunoglobulina E și/sau histamină.

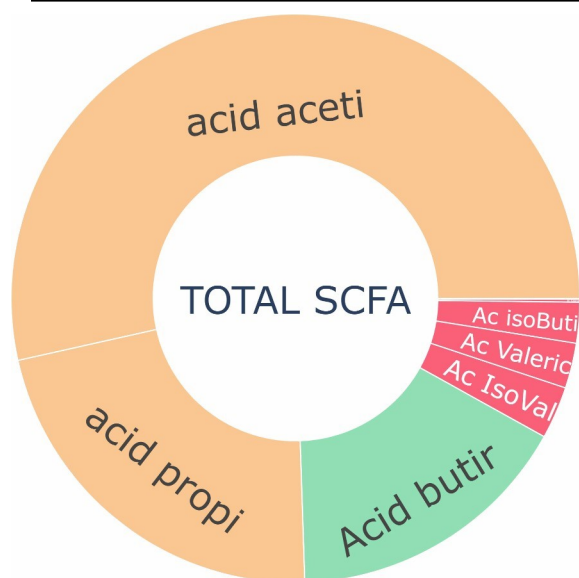
● **Fasciola [Fasc]**

DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.

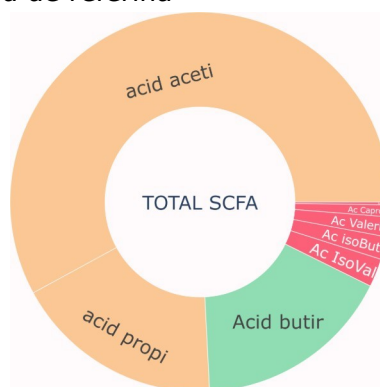
Genul Fasciola este un vierme plat care provoacă patologii hepatice. Poate condiționa metabolismul acizilor biliari.

Acizi grași cu lanț scurt (SCFA)

Acizii grași cu lanț scurt sau SCFA sunt principalii metaboliți produși de microbiota noastră, ajutând la digerarea nutrienților pe care îi ingerăm. Acționează ca neurotransmițători și hormoni pentru microbiota noastră intestinală. Ele sunt clasificate în SCFA benefice, care ajută la rezolvarea inflamației, și SCFA putrefactive, care provoacă inflamație și indică probleme în procesele de digestie. Sunt analizate prin GC-FID.



Ghid de referina



● **TOTAL SCFA** 126,30 (VR: $\geq 60,00$)

● **SCFA benefic** 116,10 (VR: 50,00/200,00)

SCFA-urile benefice sunt acidul acetic, propionic și butiric, acesta din urmă fiind cel mai important. Proporțiile sale ar trebui să fie 60/25/20 într-o situație echilibrată.

● **SCFA putrefactive** 10,20 (VR: 5,00/16,00)

SCFA benefic

● SCFA Beneficial [SCFA Bene]	116,1	(VR:50,0/200,0)
● Acid acetic [acid acetic]	53,50	(VR:50,00/70,00)
● Acid propionic [acid propionic]	22,03	(VR:12,00/25,00)
● Acid butiric [Acid butiric]	16,41	(VR:10,00/25,00)

SCFA putrefactive

● SCFA putrefactive [Putr SCFA]	10,2	(VR:5,0/16,0)
● SCFA proteine [SCFA Prot]	9,9	(VR:4,0/15,0)
<i>Include următoarele SCFA putrefactive: valeric, izo-valeric și izo-butiric.</i>		
● Acid valeric [Ac Valeric]	2,57	(VR:0,50/3,00)
● Acid iso-valeric [Ac IsoVal]	2,98	(VR:0,50/4,50)
● Acid caproic [Ac Caproic]	0,17	(VR:0,10/2,00)
● Acid iso-caproic [Ac isoCaproic]	0,04	(VR: ≤0,50)
● Acid iso-butiric [Ac isoButiric]	2,31	(VR:0,50/3,50)

Acizi biliari

Acizii biliari sunt molecule derivate din colesterol care sunt implicate în absorbția nutrienților și în digestia grăsimilor. Acționează ca regulatori de semnalizare și metabolici. În plus, prezintă recirculare enterohepatică care depinde de sănătatea ficatului și de microbiomul nostru. Sunt analizate prin LC-MS/MS.

● TOTAL Ac. Biliar [AB Tot]	1.199	(VR:200/2.500)
⚠ Acid colic [CA]	87,2	(VR:1,0/10,0)
<i>Acid biliar primar</i>		
<i>Acidul colic (CA) este un acid biliar primar produs de hepatocite din colesterol. Ajută la digestia acizilor grași, favorizează formarea micelilor lipidice și a vitaminelor liposolubile în intestin.</i>		
⚠ Acid chenodeoxicolic [CDCA]	50,9	(VR:2,5/25,0)
<i>Acid biliar primar</i>		
<i>Acidul chenodeoxicolic (CDCA) este un acid biliar primar produs de hepatocite din colesterol. În intestin și datorită acțiunii microbiotei se transformă în acid litocolic (LCA) cu efecte toxice.</i>		
⚠ Acid ursodeoxicolic [UDCA]	12,0	(VR:0,5/5,0)
<i>Acid biliar secundar</i>		
● Acid deoxicolic [DCA]	734	(VR:200/800)
<i>Acid biliar secundar</i>		
<i>Acidul deoxicolic (DCA) este un acid biliar secundar produs de microbiota intestinală din acidul colic (CA) pentru a ajuta la digestia acizilor grași și pentru a promova reabsorbția acizilor biliari. Activează enzimele membranei celulare care controlează stresul, răspunsul la durere, apetitul. Nivelurile crescute sunt toxice.</i>		
⚠ Acid litocolic [LCA]	301	(VR:50/250)
<i>Acid biliar secundar</i>		
<i>Acidul litocolic (ACL) este un acid biliar secundar produs de microbiota intestinală din acidul chenodeoxicolic (CDCA) pentru a ajuta la digestia acizilor grași și a favoriza reabsorbția acizilor biliari. Activează proteinele de membrană care schimbă morfologia mitocondriilor favorizând dezvoltarea cancerului și poate activa receptorul de vitamina D fără a crește nivelul de calciu.</i>		
● Acid taurocolic [TCA]	0,2	(VR: ≤0,5)
<i>Saruri biliare</i>		
<i>Taurocolic (TCA) este un acid biliar secundar care acționează ca un transportator de neurotransmițători. Un dezechilibru al acestora provoacă modificări în această zonă.</i>		

● **Acid glicolic [GCA]** 0,4 (VR: ≤0,5)

Saruri biliare

▲ **Acid hodeoxicolic [HCA]** **13,0** (VR: ≤0,5)

Saruri biliare

Neurobiologie

Neurobiologia studiază metabolismul diferiților neurotransmițători în fecale pentru a caracteriza capacitatea de producție a microbiomului și pentru a studia capacitatea de absorbție a organismului.

Aceștia sunt analizați prin LC-MS/MS. < /p>

● **Glicină [Gly]** 166 (VR:10/350)

● **Alanine [Ala]** 287 (VR: ≤500)

● **Beta-Alanina [bAla]** 7,9 (VR: ≤15,0)

▲ **Histidină [Histi]** **36,6** (VR:5,0/30,0)

▲ **Histamina [Hista]** **85,5** (VR:0,2/15,0)

● **Histidină/Histamină** <0,5 (VR: ≤40,0)

● **Glutamina [Gln]** 4,2 (VR:2,5/20,0)

▲ **Glutamat [Glu]** **513** (VR:75/500)

▲ **Gamma-Aminobutiric [GABA]** **206,8** (VR:2,5/50,0)

▼ **Glutamic/GABA** **2,5** (VR:10,0/200,0)

● **Fenilalanina [Phe]** 84,7 (VR:5,0/150,0)

● **Tirozină [Tyr]** 197 (VR:15/400)

▲ **Dopamină [Dop]** **5,95** (VR: ≤1,50)

● **Triptofan [Trp]** 6,16 (VR:1,00/10,00)

● **Serotonina [Sero]** 10,62 (VR:2,00/25,00)

● **Triptofan/Serotonină** 0,6 (VR: ≤6,0)

Markeri de digestie

● **pH** 7,0 (VR:6,0/7,2)

pH-ul reflectă activitatea metabolică generală a intestinului, tipul de compoziție microbială și obiceiul alimentar. Nu are legătură cu aciditatea gastrică.

▲ **Alfa glucozidaza [a-Glucosi]** **13,40** (VR:3,00/12,00)

Scaun. metoda enzimatica

Alfa-Glucozidaza este o enzimă intestinală care este responsabilă de hidroliza glicozidelor în agliconi și alte componente zaharoase, în special legături alfa.

● **Beta-glucozidaza [β-Glucosi]** 6,56 (VR:1,50/7,00)

Scaun. metoda enzimatica

Beta-glucozidaza este o enzimă intestinală sintetizată în principal de specii de Bacteroides, Clostridium și/sau Enterococcus faecalis. Este responsabil pentru hidroliza glicozidelor în agliconi și alte componente zaharoase.

▲ **Beta-glucuronidaza [β-Glucida]** **4,16** (VR:0,60/3,50)

Scaun. metoda enzimatica

Beta-glucuronidaza este o enzimă intestinală care este responsabilă de hidroliza acidului glucuronid la metaboliți pentru a-i face reabsorbibili, cum ar fi estrogenii.

● **Elastaza pancreatică 1 [Elast]** 469 (VR:200/1.200)

Fecale EIA

Elastaza este un marker al funcției pancreatice exocrine sau secretoare. Cauzele insuficienței pancreatice pot fi stresul prelungit și rezistența la insulină.

Markeri de inflamație

●	Hidden Blood [FOB] <i>Scaun. turbidimetrie</i>	6,2	(VR: ≤22,0)
	<i>Sângele ocult este un marker al digestiei sângelui în intestin. Poate fi un semn de polipi sau cancer de colon.</i>		
▲	Calprotectin [Calp] <i>Fecale EIA</i>	83,27	(VR: ≤50,00)
	<i>Calprotectina este un marker nespecific și stabil al inflamației intestinale.</i>		
●	Lactoferrin [Lacfe] <i>Fecale EIA</i>	<0,5	(VR: ≤7,20)
	<i>Lactoferrina este o proteină globulară din grupul proteinelor transportoare de fier. Este legat de procesele inflamatorii intestinale active.</i>		
●	Beta-defensina 2 [b-def2] <i>Fecale EIA</i>	17,3	(VR:8,0/60,0)
	<i>Beta-Defensin 2 este o proteină secretată de neutrofile ca răspuns la niveluri ridicate de bacterii gram-negative pentru a modula răspunsul inflamator al sistemului imunitar.</i>		
●	Gliadin sIgA [Gliad] <i>Fecale EIA</i>	25	(VR: ≤120)
	<i>Anticorpii IgA anti-gliadină sunt un indicator al sensibilității la gluten non-celiac sau al intoleranței la gluten.</i>		

Markeri de infecție

▼	IgA secretorie [IgAs] <i>Fecale EIA</i>	356	(VR:510/2.040)
	<i>IgA secretorie este un marker al răspunsului imun al sistemului gastrointestinal, fie că se datorează patologiei inflamatorii sau infecțioase sau problemelor de permeabilitate intestinală.</i>		
●	Proteina eozinofila X [EPX] <i>Fecale EIA</i>	115	(VR: ≤600)
	<i>Eosinofilul EPX sau proteina X este un marker al infecției parazitare și / sau al reacției alergice.</i>		
●	Antigenul Helicobacter pylori [Ag H. pylori] <i>Fecale EIA</i>	<1,0	(VR: ≤3,0)
	<i>Antigenul Helicobacter pylori este un marker al infecției gastrice și/sau intestinale cu Helicobacter.</i>		

Marcatori Permeabilitate

●	Anti-tripsina alfa-1 [AntiTrypsin] <i>Fecale EIA</i>	9,19	(VR: ≤30,00)
	<i>Alpha 1 Anti-Trypsin este o proteină sintetizată în ficat care acționează ca un inhibitor al proteolizei leucocitelor polimorfonucleare în procesele inflamatorii. Este, de asemenea, un marker al permeabilității intestinale.</i>		
●	Zonulin [Zonul] <i>Fecale EIA</i>	69	(VR: ≤100)
	<i>Zonulina este un marker al permeabilității intestinale, deoarece este responsabilă pentru reglarea uniunii joncțiunilor strânse.</i>		

Minerale și metale

Metalele și mineralele din fecale sunt folosite ca indicator al tipului de dietă și al capacității de detoxifiere a ficatului. Ele servesc, de asemenea, ca indicator al stării de sănătate a microbiomului și al capacității de producere a energiei a enterocitelor noastre. Sunt analizate de ICP-MS.

●	Sodiu [Na] <i>Nutritiv</i>	407	(VR:50/500)
●	Potasiu [K] <i>Nutritiv</i>	2,84	(VR:2,00/5,00)

Raport de analiza

Raport **34154888**v3

Client **hope&care**



●	Calciu [Ca] <i>Nutritiv</i>	4,19	(VR:1,50/7,00)
●	Stroniu [Sr] <i>Nutritiv</i>	16,34	(VR:5,00/30,00)
●	Bor [B] <i>Nutritiv</i>	2,29	(VR:1,00/4,00)
●	Fosfor [P] <i>Nutritiv</i>	3,55	(VR:1,50/5,00)
●	Magneziu [Mg] <i>Nutritiv</i>	1,47	(VR:1,00/5,00)
●	Fier [Fe] <i>Nutritiv</i>	63,6	(VR:20,0/120,0)
●	Cupru [Cu] <i>Nutritiv</i>	7,4	(VR:5,0/60,0)
●	Zinc [Zn] <i>Nutritiv</i>	58,9	(VR:20,0/120,0)
●	Cobalt [Co] <i>Nutritiv</i>	0,10	(VR: ≤0,50)
●	Mangan [Mn] <i>Nutritiv</i>	27,2	(VR:10,0/50,0)
●	Molibden [Mo] <i>Nutritiv</i>	0,96	(VR: ≤5,00)
⚠	Iod [I] <i>Nutritiv</i>	1,54	(VR: ≤0,40)
●	Sulf [S] <i>Nutritiv</i>	1,78	(VR:0,50/3,00)
●	Seleniu [Se] <i>Nutritiv</i>	0,20	(VR:0,10/2,00)
●	Siliciu [Si] <i>Nutritiv</i>	131,66	(VR:55,00/350,00)
	<i>Siliciul (Si) este al doilea element cel mai abundent din scoarța terestră. Se folosește în aliaje, la prepararea siliconilor, în electronica... Siliciul cristalin poate afecta sistemul imunitar, mai ales la lucrătorii cu silicoză. Expunerea profesională la siliciu cristalin respirabil este asociată cu bronșită, boala pulmonară obstructivă cronică (BPOC) și emfizem.</i>		
●	Vanadiu [V] <i>Nutritiv</i>	0,20	(VR: ≤5,00)
●	Crom [Cr] <i>Nutritiv</i>	0,19	(VR: ≤2,00)
●	Germaniu [Ge] <i>Nutritiv</i>	0,01	(VR: ≤0,10)
●	Litiu [Li] <i>Indicatori</i>	0,01	(VR: ≤0,10)
⚠	Aluminiu [Al] <i>Indicatori</i>	783,9	(VR: ≤50,0)
●	Tin [Sn] <i>Indicatori</i>	0,62	(VR: ≤2,00)
●	Antimoniu [Sb] <i>Indicatori</i>	0,01	(VR: ≤0,40)

Raport de analiza

Raport **34154888**v3

Client **hope&care**



● Platina [Pt] <i>Indicatori</i>	<0,01	(VR: ≤0,03)
● Nichel [Ni] <i>Indicatori</i>	1,11	(VR: ≤7,20)
● Bariu [Ba] <i>Indicatori</i>	5,9	(VR: ≤10,0)
● Beriliu [Be] <i>Indicatori</i>	<0,001	(VR: ≤0,05)
● Gadolinu [Gd] <i>Indicatori</i>	<0,01	(VR: ≤10,0)
● Titan [Ti] <i>Indicatori</i>	1,2	(VR: ≤15,0)
● Bismut [Bi] <i>Indicatori</i>	<0,01	(VR: ≤0,10)
● Tungsten, Wolfram [W] <i>Indicatori</i>	0,03	(VR: ≤0,10)
● Mercur [Hg] <i>Toxic</i>	0,01	(VR: ≤0,10)
● Arsenic [As] <i>Toxic</i>	0,13	(VR: ≤0,15)
● Cadmiu [Cd] <i>Toxic</i>	0,09	(VR: ≤0,80)
● Plumb [Pb] <i>Toxic</i>	0,08	(VR: ≤0,50)
● Uraniu [U] <i>Toxic</i>	0,02	(VR: ≤0,15)
● Taliu [Tl] <i>Toxic</i>	<0,005	(VR: ≤0,02)

Disbioza intestinală



Bacteriom de NGS

Bacteriomul este cantitatea de bacterii găsită la un moment dat în gazdă. Studiul nostru NGS Shotgun identifică prezența a peste 100 de genuri bacteriene cu impact clinic. Această metodologie ne permite să evaluăm distribuția bacteriilor, capacitatea lor metabolică și prezența microorganismelor cu funcționalități specifice.

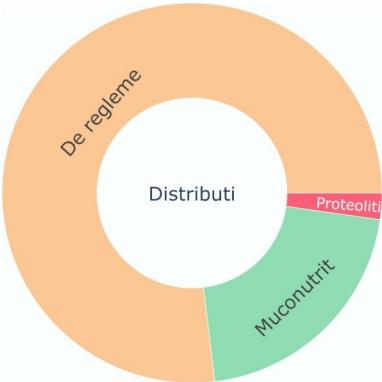
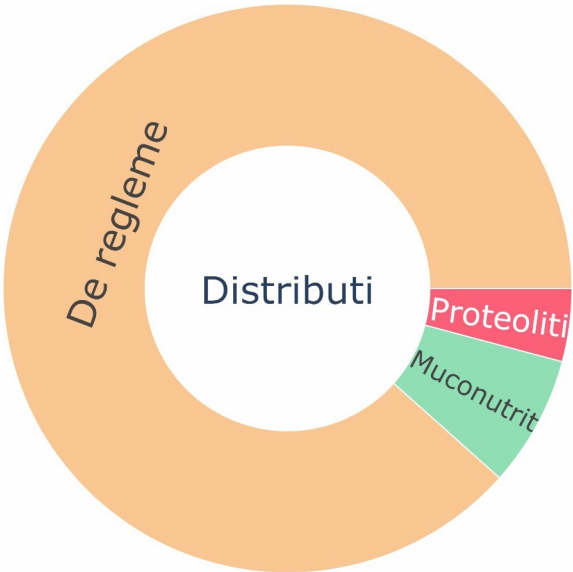
Compoziție. Bacteriom

Specia bacteriană detectată prin metodologia Metagenomic Shotgun (NGS) se bazează pe ADN.

Bacterie	56,42	(VR:45,00/70,00)	
Indicele Shannon	3,47	(VR:2,00/3,00)	
Înalt			
Biodiversitatea	În microbiomul intestinal , se observă biodiversitate bacteriană optimă.		
Bogatie	1.795	(VR:1.000/2.500)	

Distributie. Bacteriom

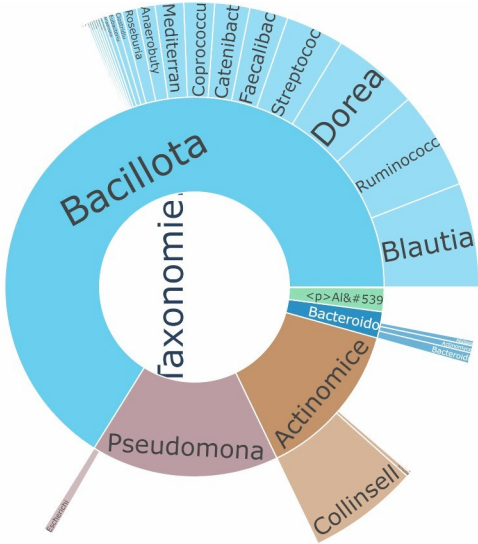
Ghid de referina



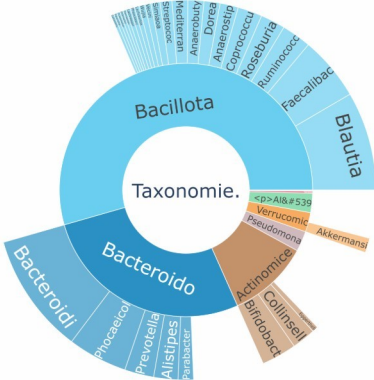
Muconutritive	5,4	(VR:2,5/30,0)	
De reglementare	64,0	(VR:40,0/80,0)	
Proteolitic	3,0	(VR:0,5/3,0)	



Taxonomie. Bacteriom



Ghid de referinta



●	Bacillota (Firmicute)	66,14	(VR:30,00/80,00)	
▼	Bacteroidota (Bacteroidetes)	2,24	(VR:5,00/50,00)	
●	Actinomycetota	13,52	(VR:1,00/20,00)	
⚠	Pseudomonadota	16,04	(VR:0,25/5,00)	
●	Campylobacterota	0,01	(VR: ≤0,10)	
●	Fusobacteriota	0,01	(VR: ≤0,05)	
●	Verrucomicrobiota	<0,01	(VR: ≤5,00)	
●	Termodesulfobacteriota	0,01	(VR: ≤0,50)	
●	Spirochetota	0,01	(VR: ≤0,05)	
●	Alții	2,02	(VR: ≤5,00)	

Indici. Bacteriom

⚠	Bacillota/Bacteroidota	1,47	(VR:-0,40/1,00)	
▼	Bacillota+bacteroidota	68,38	(VR:70,00/95,00)	
●	Bacteroides/Prevotella	1,21	(VR:-0,25/3,00)	

Enterotip E3 - Ruminococcus

Speciile predominante de **ENTEROTIP 3** sunt Ruminococcus și se caracterizează prin:

- Producție mai mare de grupe heme de către microbiotă.
- O creștere a prezenței transportatorilor de zahăr în membrana bacteriilor pentru producția rapidă de energie.
- Există o mai mare biodiversitate bacteriană, fungică și virală.

Phyllum Bacillota [Firmicutes]

●	Anaerobutyricum	1,05	(VR:0,25/2,50)	
●	Anaerostipes	0,29	(VR:0,15/3,00)	
●	Bacil	0,01	(VR: ≤0,05)	
●	Blautia	5,91	(VR:2,00/15,00)	
	- B. wexlerae	50.1		
	- B. obeum	32.0		
	- B. produs	0.3		

Raport de analiza

Raport **34154888v3**

Client **hope&care**



●	Butyrivibrio	0,13	(VR: ≤0,20)	
⚠	Catenibacterium	1,99	(VR: ≤0,50)	
●	Clostridioides	0,08	(VR: ≤0,10)	
	- C. difficile	74.2		
⚠	Clostridium	0,43	(VR: 0,05/0,30)	
	- C. perfringens	29.8		
●	Coprococcus	1,74	(VR: 0,20/4,00)	
●	Dialister	<0,01	(VR: ≤0,50)	
⚠	Dorea	4,92	(VR: 0,25/2,50)	
▼	Dysosmobacter	0,04	(VR: 0,05/0,50)	
●	Enterocloster	0,12	(VR: 0,05/0,50)	
▼	Enterococ	0,02	(VR: 0,03/0,25)	
●	Etanoligeneni	<0,01	(VR: ≤0,05)	
●	Eubacterium	0,39	(VR: 0,05/0,50)	
●	Faecalibacillus	0,04	(VR: ≤0,50)	
●	Faecalibacterium	2,19	(VR: 1,00/10,00)	
	- F. prausnitzii	36.0		
▼	Flavonifractor	0,04	(VR: 0,05/0,50)	
●	Hungatella	0,02	(VR: ≤0,15)	
●	Intestinele	0,01	(VR: ≤0,25)	
●	Lachnoclostridium	0,15	(VR: 0,05/0,75)	
●	Lachnospira	0,18	(VR: ≤0,75)	
⚠	Lactacaseibacillus	0,12	(VR: ≤0,05)	
	- L. paracasei	71.4		
●	Lactiplantibacillus	0,02	(VR: ≤0,05)	
●	Lactobacillus	0,01	(VR: ≤0,05)	
●	Lactococcus	0,03	(VR: ≤0,05)	
●	Leuconostoc	0,01	(VR: ≤0,05)	
●	Ligilactobacillus	0,03	(VR: ≤0,05)	
⚠	Limosylactobacillus	0,06	(VR: ≤0,05)	
	- L. mucoase	95.5		
●	Listeria	<0,01	(VR: ≤0,05)	
●	Mediterraneibacter	1,63	(VR: 0,20/2,50)	
	- M. gnavus	7.7		
	- M. lactaris	4.2		
	- M. cupluri	86.8		
●	Megasphaera	0,04	(VR: ≤0,05)	
●	Oscillibacter	0,02	(VR: ≤0,10)	
●	Phascolarctobacterium	0,08	(VR: ≤0,75)	
●	Roseburia	0,84	(VR: 0,25/4,00)	
	- R. intestinalis	42.1		
	- R. hominis	35.5		
⚠	Ruminococcus	5,55	(VR: 0,10/5,00)	
	- R. bicirculans	1.5		
●	Ruthenibacterium	0,04	(VR: ≤0,50)	
●	Selenomonas	<0,01	(VR: ≤0,05)	
●	Simiaoa	0,13	(VR: 0,05/1,50)	
●	Stafilococ	<0,01	(VR: ≤0,05)	
⚠	Streptococ	3,31	(VR: 0,05/2,00)	

Raport de analiza

Raport 34154888v3

Client hope&care



- S. salivarius	39.4		
- S. thermophilus	9.9		
● Thomasclavelia	0,08	(VR:0,05/0,50)	
● Veillonella	0,02	(VR: ≤0,05)	
● Vecini	0,11	(VR:0,05/1,00)	
● Weissella	<0,01	(VR: ≤0,05)	
● Wujia	0,04	(VR: ≤1,00)	

Phyllum Bacteroidota

● Alistipes	0,30	(VR:0,15/4,00)	
- A. finegoldii	17.9		
▼ Bacteroidii	0,61	(VR:0,75/20,00)	
- B. thetaiotaomicron	3.2		
- B. uniformis	36.4		
- B. ovatus	2.2		
● Barnesiella	<0,01	(VR: ≤0,05)	
● Butyricimonas	0,01	(VR: ≤0,20)	
● Odoribacter	0,01	(VR: ≤0,50)	
▼ Parabacteroidi	0,05	(VR:0,15/2,50)	
▼ Phocaeicola	0,06	(VR:0,25/10,00)	
- P. vulgatus	73.2		
● Prevotella	0,04	(VR:0,03/5,00)	
- P. copri	92.8		
▲ Actinomyces	0,40	(VR: ≤0,10)	

Filul Actinomycetota

● Bifidobacterium	0,05	(VR:0,03/6,00)	
- B. longum	24.4		
▲ Collinsella	6,30	(VR:0,05/4,00)	
- C. aerofaciens	99.8		
● Corynebacterium	0,01	(VR: ≤0,05)	
● Eggerthella	0,06	(VR:0,03/1,00)	
● Kocuria	<0,01	(VR: ≤0,05)	
● Olsenella	0,01	(VR: ≤0,05)	
● Propionibacterium	0,03	(VR: ≤0,05)	
▲ Rothia	0,09	(VR: ≤0,05)	
▲ Schaalia	0,24	(VR: ≤0,15)	
● Streptomyces	<0,01	(VR: ≤0,05)	

Filul Pseudomonadota

● Acinetobacter	<0,01	(VR: ≤0,05)	
● Citrobacter	<0,01	(VR: ≤0,05)	
● Enterobacter	<0,01	(VR: ≤0,05)	
▲ Escherichia	0,55	(VR:0,01/0,25)	
- E coli	82.2		
● Haemophilus	<0,01	(VR: ≤0,05)	
● Hafnia	0,01	(VR: ≤0,05)	
● Klebsiella	0,03	(VR: ≤0,05)	
● Oxalobacter	<0,01	(VR: ≤0,05)	

Raport de analiza

Raport 34154888v3

Client hope&care



● Proteus	<0,01	(VR: ≤0,05)	
● Pseudomonas	<0,01	(VR: ≤0,05)	
● Rhizobium	<0,01	(VR: ≤0,05)	
● Salmonella	<0,01	(VR: ≤0,05)	
● Shigella	0,01	(VR: ≤0,05)	
● Yersinia	<0,01	(VR: ≤0,05)	

Filul Campylobacterota

● Campylobacter	0,01	(VR: ≤0,10)	
● Helicobacter	<0,01	(VR: ≤0,05)	

Phyllum Fusobacteriota

● Fusobacterium	<0,01	(VR: ≤0,05)	
● Leptotrichia	<0,01	(VR: ≤0,05)	

Filul Verrucomicrobiota

▼ Akkermansia	<0,01	(VR: 0,03/2,50)	
---------------	-------	-----------------	------------------------

Filul Thermodesulfobacteriota

● Desulfovibrio	<0,01	(VR: ≤0,25)	
● Desulfurivibrio	<0,01	(VR: ≤0,05)	

Filum Spirochaetata

● Treponem	<0,01	(VR: ≤0,05)	
------------	-------	-------------	------------------------

Archaeome de NGS

Arheomul este numărul de arhee găsite la un moment dat în gazdă. Studiul nostru realizat de NGS Shotgun identifică prezența a peste 50 de genuri de arhee cu impact biologic, potrivit celor mai recente publicații științifice. Această metodologie ne permite să apreciem distribuția arheilor, capacitatea lor metabolică și prezența microorganismelor cu funcționalități specifice.

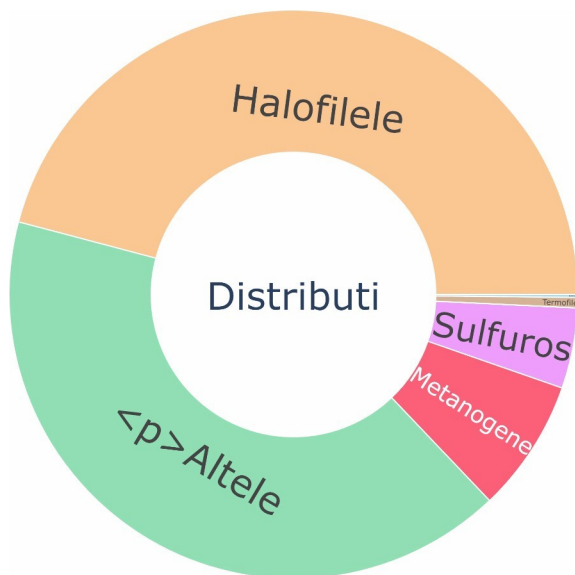
Rezultatele sunt exprimate ca procent de 10-4 datorită cantității reduse de aceste microorganisme din intestinul nostru.

Compoziție. Arheome

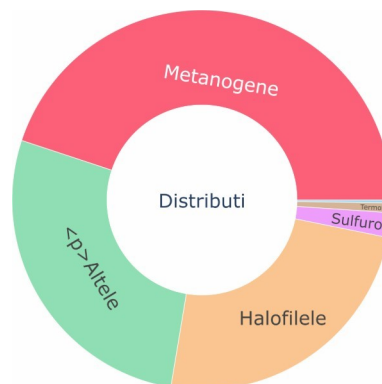
Speciile Archaea detectate prin metodologia Metagenomic Shotgun se bazează pe ADN.

●	Domeniu. arheea	0,12	(VR:0,05/1,00)	
▼	Indicele Shannon	1,12	(VR:2,00/3,00)	
●	Biodiversitatea	În microbiomul intestinal , se observă o scădere a <u>biodiversității arheologice</u> care este asociată cu o variabilitate metabolică scăzută.		
●	Bogatie	90	(VR:50/150)	

Distributie. Arheome



Ghid de referina



●	Metanogene	7,56	(VR:5,00/85,00)	
▲	Sulfuros	4,58	(VR:0,20/4,00)	
▲	Halofilele	45,89	(VR:4,00/45,00)	
●	Termofile	0,59	(VR:0,15/1,50)	
●	Nitrofile	0,16	(VR: ≤0,50)	
●	Altele (funcționalități multiple)	41,22	(VR: ≤55,00)	

Phyllum Euryarchaeota

●	Halobaculum	<2,50	(VR: ≤5,00)	
▲	Haloferaz	8,85	(VR: ≤7,50)	
▲	Halogeometricum	520,53	(VR:250,00/450,00)	
●	Methanobrevibacter	14,91	(VR:5,00/5.000,00)	

Raport de analiza

Raport **34154888v3**

Client **hope&care**



●	Methanocella	4,19	(VR: ≤10,00)	
▲	Methanococcoides	5,13	(VR: ≤5,00)	
●	Metanococ	<2,50	(VR: ≤2,50)	
●	Methanoculleus	2,80	(VR: ≤5,00)	
●	Methanofervidicoccus	7,46	(VR: ≤7,50)	
●	Methanofolis	2,80	(VR: 2,50/15,00)	
●	Methanoplanus	4,19	(VR: ≤5,00)	
●	Methanopyrus	6,06	(VR: ≤7,50)	
●	Metanoreglează	3,26	(VR: ≤5,00)	
●	Methanosarcina	10,72	(VR: 2,50/15,00)	
●	Methanosphaera	<2,50	(VR: ≤100,00)	
●	Methanothrix	2,80	(VR: ≤7,50)	
●	Pyrococcus	<2,50	(VR: ≤2,50)	
●	Salinirubellus	3,73	(VR: ≤7,50)	
●	Termococul	6,52	(VR: 2,50/15,00)	

Filul Thermoproteota

▲	Desulfurococcus	54,06	(VR: 7,50/50,00)	
---	------------------------	--------------	------------------	--

Alte Filumuri

●	Methanomassiliicoccus	3,73	(VR: ≤10,00)	
---	------------------------------	------	--------------	--



Mycobiome de NGS

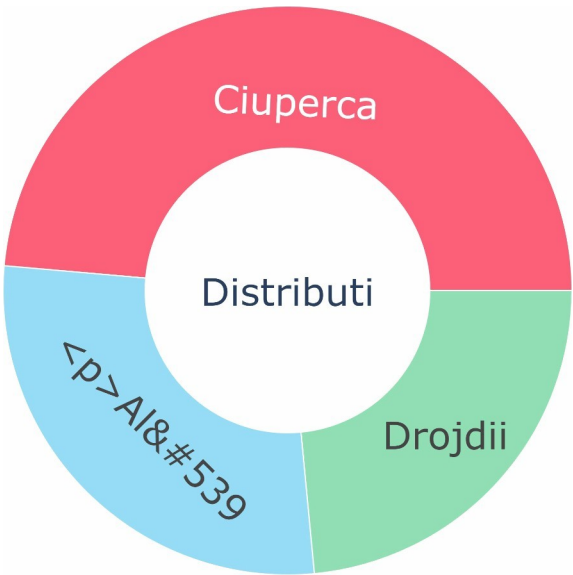
Mycobiomul reprezintă cantitatea de ciuperci, drojdii și ciuperci găsite la un moment dat în gazdă. Studiul nostru NGS Shotgun identifică prezența a peste 50 de genuri de ciuperci cu impact biologic, potrivit celor mai recente publicații științifice. Această metodologie ne permite să apreciem distribuția ciupercilor, distribuția drojdiilor, capacitatea lor metabolică și prezența microorganismelor cu funcționalități specifice. Rezultatele sunt exprimate ca procent de 10-4< /sup> datorită cantității reduse a acestor microorganisme din intestinul nostru.

Compoziție. Microbiomul

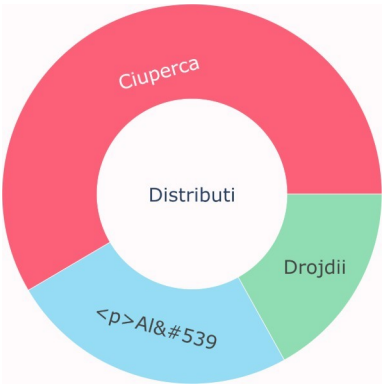
Speciile de ciuperci detectate prin metodologia Metagenomic Shotgun se bazează pe ADN.

Ciuperci	0,39	(VR:0,10/0,50)	
Indicele Shanon	1,62	(VR:2,00/3,00)	
Biodiversitatea			
În microbiomul intestinal , se observă biodiversitatea optimă a microbiomului .			
Bogatie	154	(VR:100/200)	

Distributie. Microbiomul



Ghid de referina



Drojdi	23,49	(VR:7,50/20,00)	
Ciuperca	48,61	(VR:40,00/55,00)	
Alți	27,90	(VR: ≤40,00)	

Phyllum Ascomycota

Alternaria	2,80	(VR: ≤5,00)	
Aspergillus	62,44	(VR:5,00/25,00)	
- A. niger	85,8		
Botrytis	5,13	(VR: ≤4,00)	
Grupul Candida	12,12	(VR: ≤10,00)	
Include genul Candida, Pichia, Nakaseomyces, Clavispora și Cyberlindnera.			
- C. krusei	46,2		
Colletotrichum	5,59	(VR: ≤10,00)	

Raport de analiza

Raport **34154888**v3

Client **hope&care**



▲ Debaryomyces	7,46	(VR: ≤2,50)	
- D. hansenii	93.8		
● Exophiala	<2,50	(VR: ≤5,00)	
▲ Fusarium	55,45	(VR: ≤10,00)	
- F. proliferatum	97.5		
● Grosmannia	20,04	(VR: 2,50/50,00)	
● Neurospora	392,38	(VR: 150,00/550,00)	
▲ Penicillium	1.336,50	(VR: 500,00/1.200,00)	
- P. rubens	99.3		
● Piricularia	15,84	(VR: 10,00/50,00)	
● Saccharomyces	5,13	(VR: ≤10,00)	
● Trichoderma	<2,50	(VR: ≤5,00)	
● Trichophyton	2,80	(VR: ≤5,00)	
▲ Wickerhamomyces	889,60	(VR: 200,00/500,00)	
● Zygosaccharomyces	<2,50	(VR: ≤2,50)	

Filul Basidiomycota

● Criptococul	<2,50	(VR: ≤2,50)	
● Malassezia	3,26	(VR: ≤7,50)	
● Rhodotorula	5,13	(VR: ≤7,50)	
- Rhodotorula toruloides	100.0		
● Trichosporon	<2,50	(VR: ≤5,00)	

Alte Filumuri

● Phycomyces	3,73	(VR: ≤5,00)	
● Umbelopsis	21,90	(VR: 5,00/25,00)	

Virome de NGS

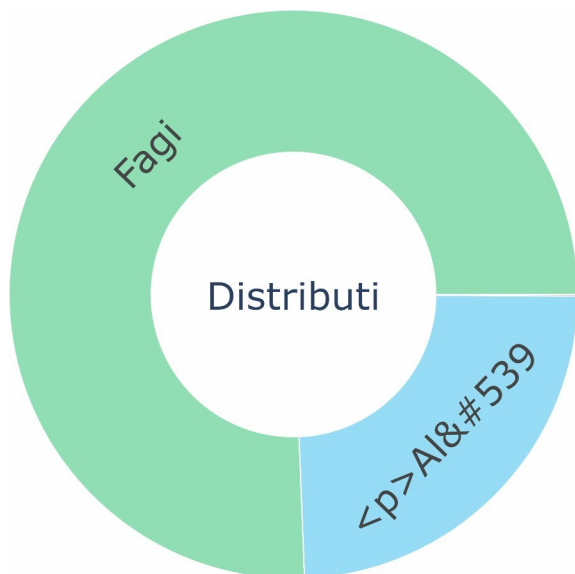
Viromul este cantitatea de viruși (fagi și agenți patogeni) găsite la un moment dat în gazdă. Studiul nostru NGS Shotgun identifică prezența a peste 40 de genuri de bacteriofagi și a peste 10 familii de viruși patogeni la oameni. Bacteriofagii analizați au un impact asupra activității microbiotei noastre bacteriene, acționând ca modulatori metabolici și/sau ca antibiotice naturale.

Compoziție. virom

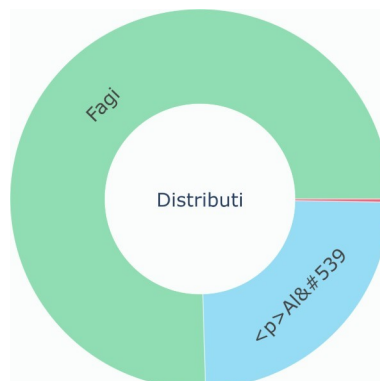
Speciile de virus detectate prin metodologia Metagenomic Shotgun sunt bazate pe ADN.

● Virus	0,59	(VR:0,05/1,00)	
⚠ Indicele Shannon	3,41	(VR:2,00/3,00)	
	Înalt		
● Biodiversitatea	În Microbiomul intestinal , se observă o <u>biodiversitate virală</u> ridicată care este asociată cu o creștere a variabilității metabolice a speciilor de bacterii, arhee, ciuperci și drojdie.		
⚠ Bogatie	194	(VR:50/150)	

Distributie. Viroma



Ghid de referina



● TOTAL Fagi [Fagi]	75,62	(VR:50,00/90,00)	
- bacteriofagi	51,38		
- alți fagi	24,24		
● TOTAL agenți patogeni [Pathog]	0,09	(VR: ≤0,50)	
- Virusul ADN	0,08		
- Retrovirusuri	0,02		
● Alții	24,29	(VR:5,00/40,00)	

Bacteriofagi

Bacteriofagii sunt un tip de virus care infectează anumite microorganisme, cum ar fi bacteriile și arheile. Sunt indicați fagii detectați în microbiomul intestinal.

Fagul Lactobacillus	0,53
Fagul Streptococcus	2,06
Fage Calibacterium	3,66

Fagul Lactococcus	0,20
Fagul Bacteroidota	6,48
Fagul Salmonella	2,89
Fagul enterobacterii	6,84
Fagul Escherichia	15,37
Fagul Klebsiella	4,22
Fagul Shigella	3,11
Fagul Stx2	5,90

VMR (Virusi vs Microorganisme)

VMR este raportul dintre cantitatea de virus în comparație cu cantitatea de microorganism gazdă.

- **Ciclul litic:** provoacă liza bacteriei gazdă.
- **Ciclul lizogen:** rămâne în latență până la intrarea în litic. ciclu.

Lactobacillus	53,00	Prezența virusurilor în ciclul litic.
<i>Simbiot</i>		
Bacil	1,00	Prezența virusurilor în ciclul lizogen.
<i>Simbiot</i>		
Enterococ	0,25	Scăderea prezenței virusului.
<i>Simbiot</i>		
Streptococ	0,35	Scăderea prezenței virusului.
<i>Simbiot</i>		
Faecalibacterium	0,94	Scăderea prezenței virusului.
<i>Simbiot</i>		
Stafilococ	<0,01	Nu sunt detectați bacteriofagi.
<i>Simbiot</i>		
Lactococcus	3,33	Prezența virusurilor în ciclul lizogen.
<i>Simbiot</i>		
Bacteroidota	28,93	Prezența virusurilor în ciclul litic.
<i>Simbiot</i>		
Bacteroidii	<0,01	Nu sunt detectați bacteriofagi.
<i>Simbiot</i>		
Parabacteroidi	<0,01	Nu sunt detectați bacteriofagi.
<i>Simbiot</i>		
Streptomyces	2,00	Prezența virusurilor în ciclul lizogen.
<i>Simbiot</i>		
Corynebacterium	2,00	Prezența virusurilor în ciclul lizogen.
<i>Simbiot</i>		
Clostridium	<0,01	Nu sunt detectați bacteriofagi.
<i>Patobiont</i>		
Pseudomonas	4,00	Prezența virusurilor în ciclul lizogen.
<i>Patobiont</i>		
Hafnia	<0,01	Nu sunt detectați bacteriofagi.
<i>Patobiont</i>		
Escherichia	15,85	Prezența virusurilor în ciclul litic.
<i>Patobiont</i>		
Klebsiella	84,40	Prezența virusurilor în ciclul litic.
<i>Patobiont</i>		
Shigella	155,50	Prezența virusurilor în ciclul litic.
<i>Patobiont</i>		



Parazitomul de către NGS

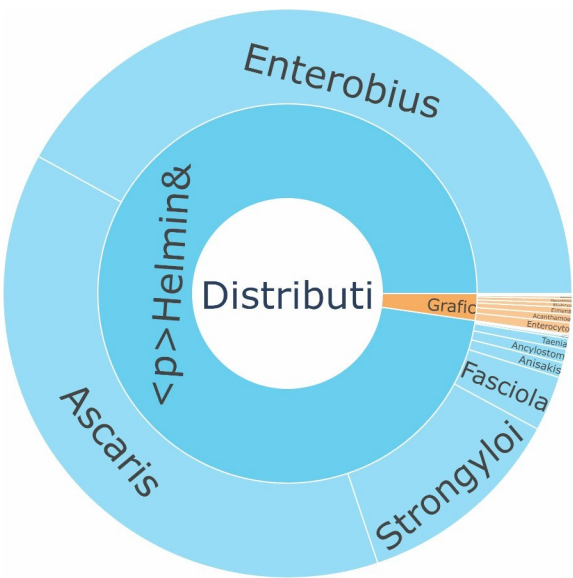
Parazitomul este numărul de paraziți și helminți găsiți la un moment dat în gazdă. Studiul nostru NGS Shotgun identifică prezența a 17 genuri de paraziți și 10 genuri de helminți. Această metodologie NU permite evaluarea unei infecții parazitare, dar evaluează expunerea la antigene parazitare.

Compoziție. Parazitomul

Specia de paraziți și helminți prin metodologia Metagenomic Shotgun (NGS) se bazează pe ADN.

Paraziți și Helminți 0,32 (VR: ≤0,25)

Distributie. Parazitomul



Paraziți de NGS

Blastocystis sp.	DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.	
Acanthamoeba	DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.	
Entamoeba	DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.	
Giardia	Nu a fost detectat	
Spinonucleul	Nu a fost detectat	
Monocercomonoide	DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.	
Trichomonas	Nu a fost detectat	
Cyclospora	Nu a fost detectat	
Coccidii	Nu a fost detectat	
Cistoizospora	Nu a fost detectat	
Coccidii	Nu a fost detectat	

Raport de analiza

Raport 34154888v3

Client hope&care



Cryptosporidium	Coccidii	Nu a fost detectat	
Eimeria	Coccidii	DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.	
Neospora	Coccidii	Nu a fost detectat	
Anncaliia	Microsporidia	Nu a fost detectat	
Enterospora	Microsporidia	Nu a fost detectat	
Hepatospora sp.	Microsporidia	Nu a fost detectat	
Mitosporidium sp.	Microsporidia	Nu a fost detectat	
Enterocytozoon sp.	Microsporidia	DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.	

Helminți de NGS

Enterobius	Nematod	DETECTAT: niveluri crescute de ADN.	
Ascaris	Nematod	DETECTAT: niveluri crescute de ADN.	
Strongyloides	Nematod	DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.	
Trichuris	Nematod	Nu a fost detectat	
Necator sp.	Nematod	Nu a fost detectat	
Ancylostoma	Nematod	DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.	
Anisakis	Nematod	DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.	
Hymenolepis	Platihelmini	Nu a fost detectat	
Taenia	Platihelmini	DETECTAT: niveluri reduse de ADN.	
Fasciola	Platihelmini	DETECTAT: Nivelurile de ADN NU pot fi evaluate.	

(VR: Valori de referina exprimate în italic)

Acces la raportul digital.
teletest.es-> Rezultatele

Raport validat de **Laia Carrera Culebras**
<p>Farmacist specialist în analize clinice. COFB
14.096</p>
Data validării i emisiunea raportului 23-01-2024 16:48



Raport emis de: **TeleTest Analytika S.A.** C/ Montseny 11 Barcelona; 08012.
Tel 932 123 345; laboratory@teletest.es

34154888 42MqN

Raport de analiza

Raport **34154888**v3

Client **hope&care**



Raportul atestă doar probele primite și analizate așa cum au fost primite în laborator, cu excepția cazului în care se indică altfel în Prelevare de probe. Raportul nu poate fi reprodus parțial. Incertitudinea este disponibilă clientului pentru teste acreditate conform ISO 17025. Document semnat electronic cu certificat digital (FNMT www.fnmt.es). Toate informațiile obținute de organizație de la client în timpul procesului de planificare, eșantionare, analiză și evaluare sunt confidențiale cu clientul. Nu va fi dezvăluit terților cu excepția obligației legale sau a autorizației din partea clientului. # Informații furnizate de client, laboratorul nu este responsabil pentru acestea.

Analiza clinica

Autorizație Generalitat de Catalunya E08026400. CIF A58023326 Director de laborator: Jose M^a Mestres. Farmacist Specialist Analize Clinice. COFB 12.195

Summary Deviations

34154888 [REDACTED] Date: 12/1/24;

Intestinal Dysbiosis

 Cholic acid [CA]	87,2 µg/g	(1,0/10,0)
 Alpha glucosidase [a-Glucosi]	13,40 IU/100mg Protein	(3,00/12,00)
 Chenodeoxycholic acid [CDCA]	50,9 µg/g	(2,5/25,0)
 Ursodeoxycholic acid [UDCA]	12,0 µg/g	(0,5/5,0)
 Beta glucuronidase [β-Glucuro]	4,16 IU/100mg Protein	(0,60/3,50)
 Lithocholic acid [LCA]	301 µg/g	(50/250)
 Calprotectin [Calp]	83,27 mg/Kg	(<50,00)
 sIgA Secretory [IgAs]	356 µg / mL	(510/2.040)
 - Shannon index	Index 3,47	(2,00/3,00)
 Hyodeoxycholic Acid [HCA]	13,0 µg/g	(<0,5)
 Histidine [Histi]	36,6 µg / g stool	(5,0/30,0)
 - Shannon index	Index 1,12	(2,00/3,00)
 Histamine [Hista]	85,5 µg / g stool	(0,2/15,0)
 Iodine [I]	1,54 µg / g stool	(<0,40)
 - Shanon index	Index 1,62	(2,00/3,00)
 - Shannon index	Index 3,41	(2,00/3,00)
 Glutamate [Glu]	513 µg / g stool	(75/500)
 Gamma-AminoButyric [GABA]	206,8 µg / g stool	(2,5/50,0)
 Parasites and Helminths [PAR]	0,32 %	(<0,25)
 Glutamic/GABA	Ratio 2,5	(10,0/200,0)
 Aluminum [Al]	783,9 µg / g stool	(<50,0)
 Dopamine [Dop]	5,95 µg / g stool	(<1,50)
 Bacillota+Bacteridota [Bacil+Bacter]	68,38 %	(70,00/95,00)
 Bacillota/Bacteridota [Bacil/Bacter]	Index 1,47	(-0,40/1,00)
 Akkermansia [Akker]	<0,01 %	(0,03/2,50)
 Lactobacillaceae [Lacto]	0,26 %	(0,03/0,25)
 Enterococcus [Enter]	0,02 %	(0,03/0,25)
 Streptococcus [Strept]	3,31 %	(0,05/2,00)
 Ruminococcus [Rumin]	5,55 %	(0,10/5,00)
 Bacteroides [Bacter]	0,61 %	(0,75/20,00)
 Collinsella [Collin]	6,30 %	(0,05/4,00)

Raport de analiza

Raport **34154888v3**

Client **hope&care**



▲ Clostridium [Clost]	0,43 %	(0,05/0,30)
▲ Enterobacteriales [ETBs]	8,86 %	(0,03/5,00)
▲ - Escherichia	0,55 %	(0,01/0,25)
▲ Halophilic [HAL]	45,9 %	(4,0/45,0)
▲ Sulphurous [SULF]	4,6 %	(0,2/4,0)
▲ Desulfurococcus [Desulf]	54,06 % 10e-4	(7,50/50,00)
▲ Yeasts [LEV]	23,5 %	(7,5/20,0)
▲ Aspergillus [Asper]	62,44 % 10e-4	(5,00/25,00)
▲ Candida [Cand]	12,12 % 10e-4	(<10,00)
▲ Fusarium [Fusar]	55,45 % 10e-4	(<10,00)
▲ Penicillium [Penic]	1.336,50 % 10e-4	(500,00/1.200,00)
● Enterobius [Enter]	DETECTED: elevated DNA levels.	
● Ascaris [Asca]	DETECTED: elevated DNA levels.	

Bacterioma by NGS

▲ Shannon index	Index 3,47 High	(2,00/3,00)
▼ Bacteroidota (Bacteroidetes)	2,24 %	(5,00/50,00)
▲ Pseudomonadota	16,04 %	(0,25/5,00)
▲ Bacillota/Bacteroidota	Index 1,47	(-0,40/1,00)
▼ Bacillota+bacteroidota	68,38 %	(70,00/95,00)
▲ Catenibacterium	1,99 %	(<0,50)
▲ Clostridium	0,43 %	(0,05/0,30)
▲ Dorea	4,92 %	(0,25/2,50)
▼ Dysosmobacter	0,04 %	(0,05/0,50)
▼ Enterococcus	0,02 %	(0,03/0,25)
▼ Flavonifractor	0,04 %	(0,05/0,50)
▲ Lactaseibacillus	0,12 %	(<0,05)
▲ Limosylactobacillus	0,06 %	(<0,05)
▲ Ruminococcus	5,55 %	(0,10/5,00)
▲ Streptococcus	3,31 %	(0,05/2,00)
▼ Bacteroids	0,61 %	(0,75/20,00)
▼ Parabacteroids	0,05 %	(0,15/2,50)
▼ Phocaeicola	0,06 %	(0,25/10,00)
▲ Actinomyces	0,40 %	(<0,10)
▲ Collinsella	6,30 %	(0,05/4,00)
▲ Rothia	0,09 %	(<0,05)

Raport de analiza

Raport 34154888v3

Client hope&care



▲ Schaalia	0,24 %	(<0,15)
▲ Escherichia	0,55 %	(0,01/0,25)
▼ Akkermansia	<0,01 %	(0,03/2,50)

Archaeome by NGS

▼ Shannon Index	Index 1,12	(2,00/3,00)
-----------------	------------	-------------

● Biodiversity

In the **Gut Microbiome** , decreased archaeological biodiversity is observed that is associated with low metabolic variability.

▲ Sulphurous	4,58 %	(0,20/4,00)
▲ Halophylls	45,89 %	(4,00/45,00)
▲ Desulfurococcus	54,06 % 10e-4	(7,50/50,00)
▲ Haloferaz	8,85 % 10e-4	(<7,50)
▲ Halogeometricum	520,53 % 10e-4	(250,00/450,00)
▲ Methanococcoides	5,13 % 10e-4	(<5,00)

Mycobiome by NGS

▼ Shanon index	Index 1,62	(2,00/3,00)
▲ Yeasts	23,49 %	(7,50/20,00)
▲ Aspergillus	62,44 % 10e-4	(5,00/25,00)
▲ Botrytis	5,13 % 10e-4	(<4,00)
▲ Candida Group	12,12 % 10e-4	(<10,00)
▲ Debaryomyces	7,46 % 10e-4	(<2,50)
▲ Fusarium	55,45 % 10e-4	(<10,00)
▲ Penicillium	1.336,50 % 10e-4	(500,00/1.200,00)
▲ Wickerhamomyces	889,60 % 10e-4	(200,00/500,00)

Virome by NGS

▲ Shannon Index	Index 3,41 High	(2,00/3,00)
▲ Wealth	194 species	(50/150)
▲ Stx2 phage	5,90 %	
▲ Lactobacillus	Ratio 53,00 Presence of viruses in the lytic cycle.	(0,10/1,00)
▼ Staphylococcus	Ratio <0,01 No bacteriophages are detected.	(0,10/1,00)
● Lactococcus	Ratio 3,33 Presence of viruses in the lysogenic cycle.	(0,10/1,00)
▲ Bacteroidota	Ratio 28,93 Presence of viruses in the lytic cycle.	(0,10/1,00)
▼ Bacteroids	Ratio <0,01 No bacteriophages are detected.	(0,10/1,00)
▼ Parabacteroids	Ratio <0,01 No bacteriophages are detected.	(0,10/1,00)
● Streptomyces	Ratio 2,00	(0,10/1,00)

Raport de analiza

Raport **34154888**v3
Client **hope&care**



 Corynebacterium	Presence of viruses in the lysogenic cycle. Ratio 2,00 (0,10/1,00) Presence of viruses in the lysogenic cycle.
 Clostridium	Ratio <0,01 (1,00/10,00) No bacteriophages are detected.
 Hafnia	Ratio <0,01 (1,00/10,00) No bacteriophages are detected.
 Escherichia	Ratio 15,85 (1,00/10,00) Presence of viruses in the lytic cycle.
 Klebsiella	Ratio 84,40 (1,00/10,00) Presence of viruses in the lytic cycle.
 Shigella	Ratio 155,50 (1,00/10,00) Presence of viruses in the lytic cycle.

Parasitoma by NGS

 Parasites and Helminths	0,32 % (<0,25)
 Enterobius	DETECTED: elevated DNA levels.
 Ascaris	DETECTED: elevated DNA levels.
 Taenia	DETECTED: reduced DNA levels.

Simboluri de legendă



Scăzut Valoare de referință Ridicat

 Interpretați în funcție de datele pacientului

 Rezultat cu comentarii

 Nedeterminat sau neconcludent

Rezultat
VR Max
VR Min

Context, daca este cazul
 Valoare de referinta
Rezultat